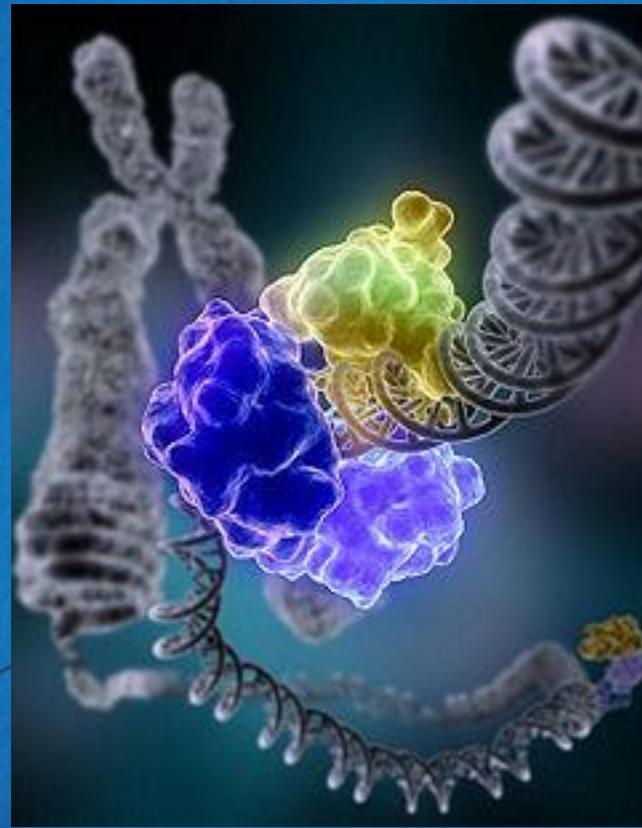


# *Enzimas utilizadas en Biología molecular*



# Nucleasas → DNAsas

## Endonucleasas inespecíficas.

### Enzima

**DNAsa I**  
**(páncreas bovino)**

### Molde

Degrada DNA dc, sc. A bajas concentraciones genera nicks

### Aplicaciones

Sondas, Nick translation  
Dnasa footprinting

### RQ I

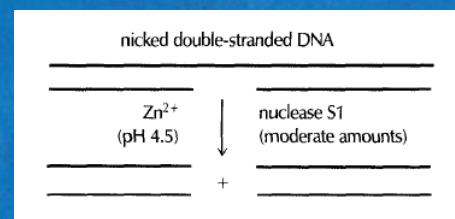
Degrada DNA dc, sc  
Libre de Rnasas

Extracciones de RNA

### S I

Degrada DNA y RNA sc

Reparación de extremos DNA  
Análisis estructura de híbridos DNA:RNA



### Mung Bean

Degrada DNA y RNA sc

Reparación de extremos DNA

# Nucleasas → DNAsas

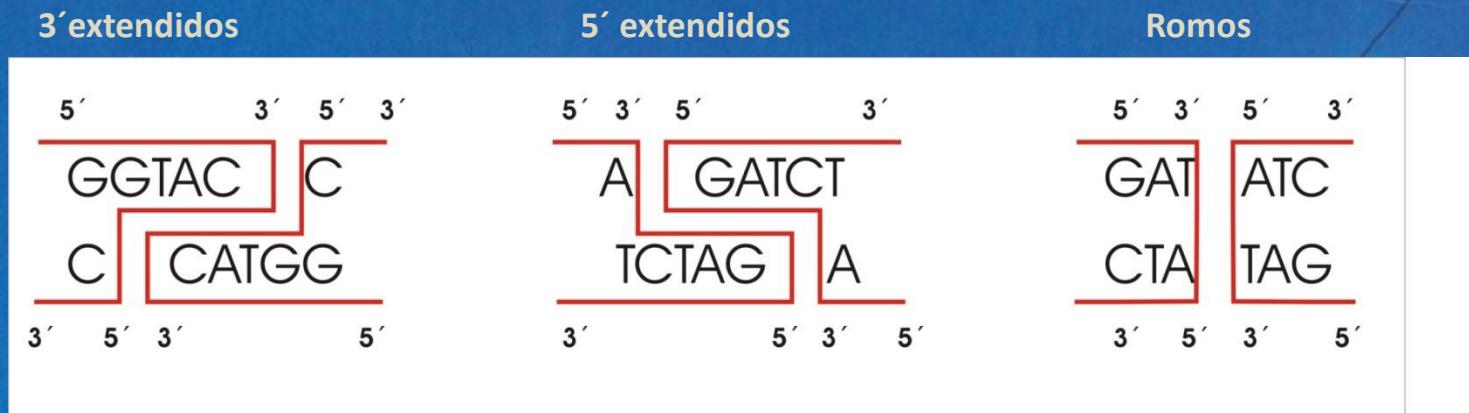
## Endonucleasas sitio específicas – Enzimas de restricción.

Molde DNA dc

	<i>Tipo I</i>	<i>Tipo II</i>	<i>Tipo III</i>
<b>Cofactor</b>	ATP, Mg +2	Mg +2	ATP, Mg +2
<b>Sitio de reconocimiento</b>	Se pega en sitio específico y corta al azar	Se pega en sitio específico , corta y se disocia De 4-8 nt	Se pega en sitio específico , corta y se disocia De 4-8 nt
<b>Palindrómico</b>	No	Si	No
<b>Metilación</b>	Mismo Polipéptido	Diferente Polipéptido	Mismo Polipéptido
<b>Ejemplos</b>	EcoAI GAG(Nx7)GTCA B1 TGA(Nx8)TGCT	Bgl II A*GATCT BamH I G*TGATCC N de I CATATG EcoRV GAT*ATC Kpn I GGTAC*C Sau3A I GATC Not I GC*GGCCGC	

# Otras características de las ER

## Tipos de extremos



- Procedencia del nombre
- Frecuencia de corte con 50% GC
- Definición de Unidad enzimática
- Nomenclatura
  - Isoesquizómeros
  - Neoesquizómeros
  - Compatibilidad de extremos
- Actividad estrella
- Homing endonucleasas 15-30. Digestion y mapeo de genomas grandes

## Ejemplos de compatibilidad de extremos



BamH I



EcoR V



EcoR I



Sau3A I



Mfe I



Bgl II



Pvu II



Hind III

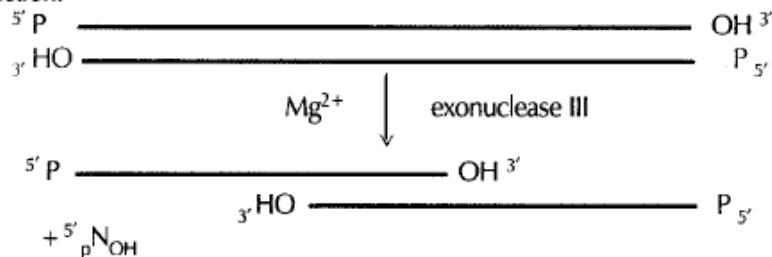
Cúal deja extremos compatibles con cual?

**Nucleasas → DNAsas****Exonucleasas**

<b>Enzima/ Sentido</b>	<b>Molde</b>	<b>Aplicación</b>
$5' \longrightarrow 3'$		
<b>Exo λ</b>	DNA dc, DNA con extremo 5' extendido	Modificación de extremos
$3' \longrightarrow 5'$		
<b>Exo T7</b>	DNA dc, DNA con extremo 5' extendido, híbridos DNA/RNA. digiere en nicks o gaps	
<b>Exo I</b>	DNA sc	Modificación de extremos
<b>Exo III</b>	DNA dc romo, circular con nicks o gaps, extremos 5' ext.	Modificación de extremos, Degradación dirigida, estudio de regiones
<b>Bal31</b>	DNA dc, sc (actúa como endonucleasa)	Modificación de extremos, Mapeo de regiones dc en el DNA
$5' \longrightarrow 3'$		
$3' \longrightarrow 5'$		
<b>Exo VII</b>	DNA sc	Degradación de DNA

# Algunos ejemplos

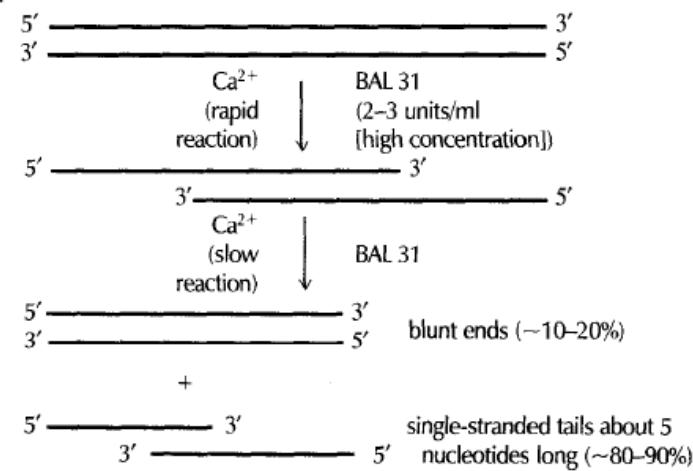
**Reaction:**



**Exo III**

**Bal31**

**Reaction:**



# Nucleasas → RNAsas.

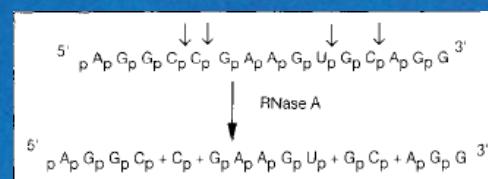
## Endoribonucleasas.

### Enzima

**RNAsa A**  
**(pancreas bovino)**

### Molde

Sc RNA en el 3' de pirimidina  
(U ó C)



### Aplicaciones

Degradación de RNA en extracción y purificación de ADN

### T1

Sc RNA en el 3' de purina  
(A ó G)

### T2

Generación de cDNA,  
Ensayo de protección a RNAsas

### Rnasa H

Degrada RNA de híbridos RNA/DNA

Generación de cDNA,

# Sistemas generales metilación-restricción en E. Coli.

## Metilasas

Dam  
metilasas

Dcm  
metilasas

## Molde

Metila dsDNA en la posición N6 de la Adenina en la secuencia GATC.

Metila dsDNA en la posición C5 de la Citocina interna en la secuencia CCAGG o CCTGG.

## Aplicaciones

Bloquea y protege la acción de algunas ER que reconocen GATC, Ej: MboI (GATC) sensible, sSau3AI (GATC) no. Digestión por enzimas que reconocen dam metilación, Ej: DpnI.

Bloquea y protege la acción de algunas ER que reconocen CCAGG o CCTGG.

## Sistemas de Restricción metilación dependiente

mrr

mcrA

mcrB

Digiere dsDNA metilados en la posición  $^{m6}A$ .

Digiere dsDNA metilados en la posición  $^{m5}CG$

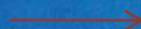
Digiere dsDNA metilados en la posición  $Pu^{m5}C$ .

# Polimerasas → DNA polimerasas

## DNA dependientes (replicación)

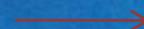
### Enzima

**DNA pol I  
(coli)**



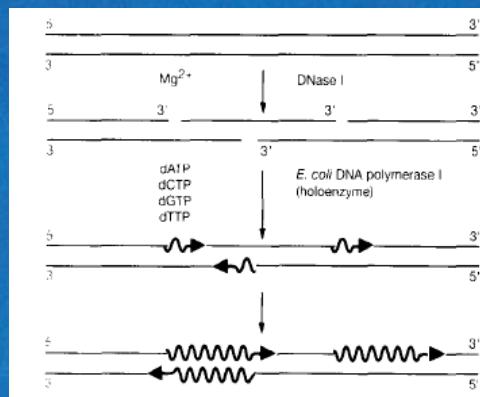
### Actividades

DNA polimerasa 5'-3'  
Exo 5'-3' (dsDNA)  
Exo 3'-5' (ssDNA, dsDNA)  
RNAsa H



### Aplicaciones

Nick Translation  
Marcado y modificación de extremos 3' extendidos



**Fragmento  
klenow**



DNA polimerasa 5'-3'  
Exo 3'-5' (ssDNA, dsDNA)



Extensión de primer  
Reparación extremos, fill in  
Marcado de extremos, sondas

# Polimerasas → DNA polimerasas

## DNA dependientes (replicación)

### Enzima

DNA pol  
fago T4



### Actividades

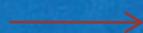
DNA polimerasa 5'-3'  
Alta Exo 3'- 5'(ssDNA,  
dsDNA)



### Aplicaciones

Extensión de primer  
Reparación extremos, fill in  
Marcado de extremos fill in,  
sondas  
Generación de cDNA con  
primers al azar

DNA pol  
fago T7  
Sequenase



DNA polimerasa 5'-3'  
muy procesiva  
Baja o nula Exo 3'- 5'(ssDNA,  
dsDNA)



Extensión de primer,  
secuenciación

# Polimerasas → DNA polimerasas termoestables DNA dependientes (replicación)

Enzima	Actividades	Aplicaciones
Taq polimerasa <i>Thermus aquaticus</i>	DNA polimerasa 5'-3' Exo 5'- 3'(ssDNA, dsDNA) Transferasa terminal. Agrega una A en el extremo 3'OH	Amplificación de fragmentos de DNA por PCR
Pfu polimerasa <i>Pyrococcus furiosus</i>	DNA polimerasa 5'-3' procesiva Exo 3'- 5'(ssDNA, dsDNA)	Amplificación de fragmentos de DNA por PCR

# Polimerasas → DNA polimerasas

## RNA dependientes (Retrotranscriptasas)

<b>Enzima</b>	<b>Actividades</b>	<b>Aplicaciones</b>
<b>AMV</b> <i>Avian mieloblastosis virus</i>	DNA polimerasa 5'-3' Alta actividad Rnasa H Funciona a 42 °C No tiene proofreading	Síntesis de cDNA
<b>Mo-MLV</b> <i>Moloney murine leukemia virus</i>	DNA polimerasa 5'-3' baja actividad Rnasa H Funciona a 38 °C	Síntesis de cDNA
<b>Tth</b> <i>Thermus thermophilus</i>	DNA polimerasa 5'-3' termoestable DNA dep. en presencia de $Mg^{+2}$ RNA dep. en presencia de $Mn^{+2}$	RT-PCR

# Polimerasas → DNA polimerasas sin molde

## Enzima

Transferasa

Terminal



## Actividades

Polymerización de ssDNA a partir de un extremo OH- 3' libre  
Actúa sobre DNA sc, DNA dc 3' extendidos



## Aplicaciones

Síntesis de homopolímeros  
Determinación de extremos de RNA  
Generar extremos conocidos para pegado de primers

# Polimerasas → RNA polimerasas sin molde

## Enzima

PoliA

polimerasa



## Actividades

Polymerización de ssRNA a partir de un extremo OH- 3' libre



## Aplicaciones

Síntesis de homopolímeros de A

# Polimerasas → RNA polimerasas RNA dependientes

Enzima que replica el genoma de algunos virus de RNA. No hay comerciales disponibles

# Polimerasas → RNA polimerasas

## DNA dependientes (Transcripción)

### Enzima

### Actividades

### Aplicaciones

**RNA pol del fago Sp6**

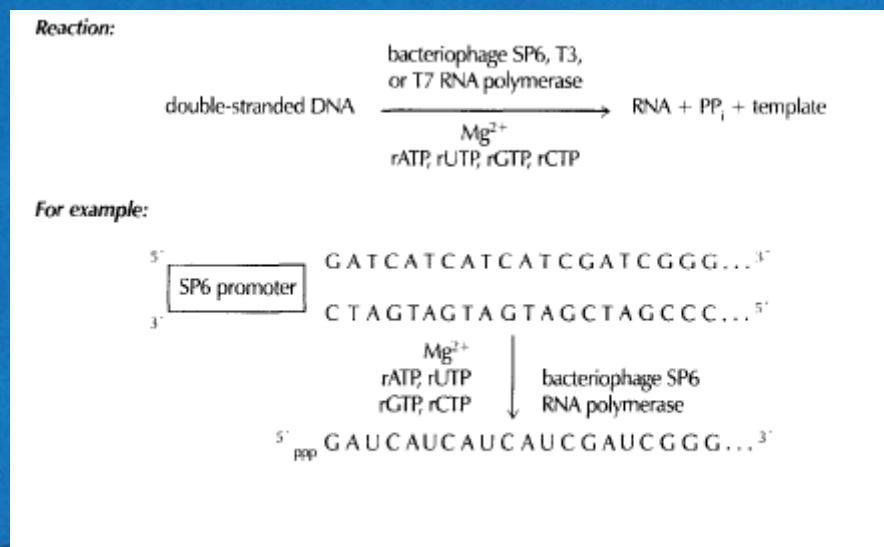
RNA polimerasa 5'-3'



Síntesis de RNA simple cadena  
Para:  
Transcripción in vitro  
Sondas de RNA  
Utilizadas en sistemas de expresión

**RNA pol del Fago T7**

**RNA pol del Fago T3**



# Ligasas.

## Enzima

**T4 DNA ligasa**

*E. coli*

DNA ligasa

## Actividades

Cataliza la formación de un enlace fosfodiester entre 3'-OH y un 5'-P en los extremos o nicks de DNA ATP (cofactor)  
PEG aumenta actividad

## Aplicaciones

Unir fragmentos de DNA doble cadena con extremos compatibles o romos. Uno de los extremos debe ser OH- 3' y el otro 5'-P  
La de *E. coli* liga romos menos eficientemente

**T4 RNA ligasa**

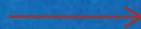
Cataliza la formación de un enlace fosfodiester entre 3'-OH y un 5'-P en los extremos de DNA o RNA sc ATP (cofactor)

Circularizar Molecula RNA.  
Ligación de Adapters marcados o no

# Fosfatasas y Quinasas

## Enzima

T4 polinucleótido  
quinasa



## Actividades

Forward: Cataliza la transferencia del  $\gamma$ -fosfato del ATP a un extremo 5' de un DNA o RNA 5'OH  
Exchange: Cataliza la transferencia del  $\gamma$ -fosfato del extremo 5' de un DNA o RNA a un ADP, incorporando un nuevo fosfato sacado de un ATP.



## Aplicaciones

Marcado de extremos DNA para sonda o fingerprint.  
Fosforilarción de linkers o primers sintéticos que carecen del fosfato 5'

Fosfatasa alcalina  
Bacteria (BAP)



Remueve fosfatos 3' y 5' de DNA y RNA  
BAP más activa y estable



Fosfatasa alcalina  
Intestino de ternera (CIP)

Evitar ligación

# Otras enzimas

Enzima	Actividades	Aplicaciones
Proteinasa K	Proteólisis de proteínas	Degradación de proteínas En extracciones de DNA o RNA (Dnasas, Rnasas, Proteínas de membrana)
Rnasin	Se une no covalentemente a Rnasas. No inhibe rna H	Inhibición de Rnasas en técnicas que manipulen RNA
Lisozima	Cataliza la hidrólisis de la unión $\beta$ (1,4) entre la N-acetylglucosamina y residuos de ácido N-acetilmurámico en el proteoglicano de la pared celular de bacterias	Degradación de paredes celulares bacterianas en extracción de DNA

***Muchas Gracias!!!***